



"Servicios científico tecnológicos del IA2 en la Universidad de Zaragoza".

26 de enero de 2021

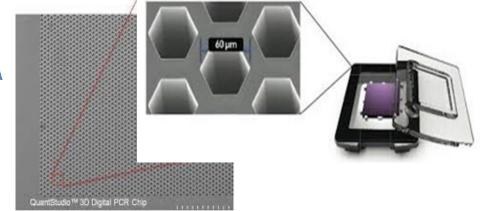
PCR digital:

Detección y cuantificación absoluta de ácidos nucleicos

PCR digital: ¿Qué es?

 Técnica analítica que permite la cuantificación absoluta de ácidos nucleicos, mediante la partición de la muestra en miles de subréplicas (chip de 20.000 pocillos).

 Se realiza una PCR individual en cada uno de los 20.000 pocillos que se categorizan como positivas o negativas dependiendo de si contienen o no la molécula objetivo (binario/digital).



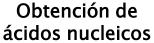
• Tras la PCR, la amplificación o no de las sub-réplicas se usa para generar un recuento absoluto del número de moléculas de la muestra, sin necesidad de estándares ni controles endógenos.







Esquema flujo general de trabajo





Diversas matrices y soportes (calidad y cantidad).

Preparación mezcla reacción PCR

Material					
QuantStudio™ 3D Digital PCR Master Mix, 2X	7.25		2X	1X	
TaqMan® Assay, 20X (primer/probe mix)	0.725		20X	1X	
Diluted DNA	1.5		23 ng/µL*	2.3 ng/µL*	
Water	5.025		-	-	
Total volume (sample/1 chip)	14.5	* Just an example, it will depend on the application			

Material Volume Stoc Final

(Diseño Taqman de RT-qPCR)









Paso que requiere más manipulación y cuidado



Termociclado

Análisis de resultados en la nube (Thermofisher)



Lectura chips



Menos de 1 minuto



Step		Temp (°C)	
Hold	Polymerase activation	96.0	10:00
Cycling (39 cycles)	Anneal/extend	60.0	2:00
	Denature	98.0	00:30
Hold	Final extension	60.0	2:00
Hold (optional)	Storage	10.0	99:59



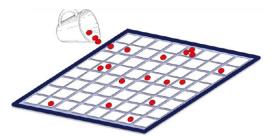




4° 10 2° 3° Distribution **Preparation Amplification** Quantification • gDNA or cDNA Positive reactions TaqMan assay Chip v2/ 20.000 pocillos Master mix Negative reactions Proflex PCR System Quantstudio 3D PCR digital system QuantStudio 3D Digital PCR chip loader

La PCR digital permite realizar cuantificaciones absolutas (nº de copias por unidad de volumen) sin usar una curva estándar

- 1 Contar número de pocillos negativos y positivos en el chip
- 2- Aplicar la corrección de Poisson (para corregir los pocillos que pueden haber recibido más de una molécula de la secuencia objetivo, se aplica un factor de corrección mediante el modelo de Poisson. Implementado en el software de Applied Biosystem).



$$\lambda = -\ln\left(1 - \frac{k}{n}\right)$$

λ: número medio de copias por pocillo

k: número de pocillos positivos

n: número total de pocillos

 λ /Vol. Pocillo = Copies/ μ L



Nº Copies/μL * genoma de la especie



Concentración [ng/µL]

Vol. chip v2: 755pL (20000 pocillos)







λ = Número medio de copias por pocillo

PUNTO IMPORTANTE: Las muestras deben estar diluidas a una concentración de manera que la mayoría de las particiones contengan una molécula o ninguna: λ Ideal entre 0,6 y 1,59.

Ejemplo:

- Gen concreto (especie humana)..../ virus /bacteria
- Contenido de ADN de un juego de cromosomas haploide humano: 3,3pg
- Volumen del pocillo : 755pL
- Para $\lambda = 0.6$

 $\lambda/\text{Vol. Pocillo} = \text{Copies}/\mu\text{L}$ 0,6copias/755pL = 794copias/ μ L

N° Copies/ μ L x genoma de la especie 794copias/ μ L x 3,3pg = 2.62 ng/ μ L

Tamaño de los genomas: http://www.cbs.dtu.dk/databases/DOGS/index.html



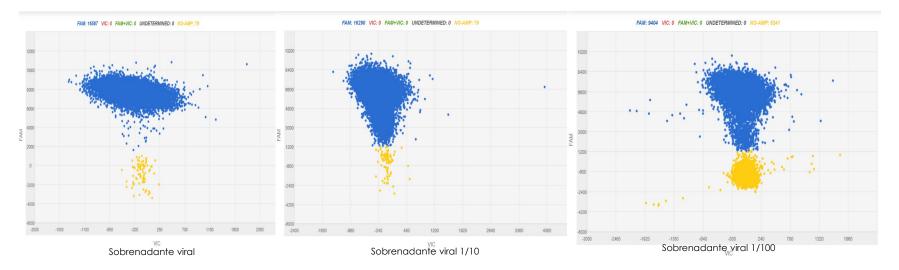




BIOTEC

Diluciones seriadas 1/10

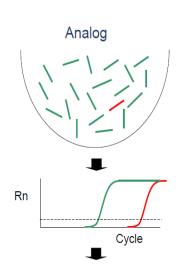
Muestra	k (positivos)	n (total)	k/n	λ	Concentración chip (copias/µl)	Precisión (Error)
Sobrenadante viral	16587	16666	0,995	5,352	7088	4,693%
Sobrenadante viral dil 1/10	16290	16369	0,995	5,334	7064	4,402%
Sobrenadante viral dil 1/100	9404	14645	0,642	1,028	1361	2,144%



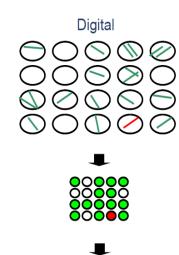
CONCLUSION

-Únicamente el sobrenadante viral dil 1/100 entra en el rango de cuantificación fiable ($\lambda=0,6-1,59$).

VENTAJAS DE LA PCR DIGITAL (vs RT-PCR)



Rare allele may be difficult to detect in presence of abundant wild-type; standard curve required for quantitation



Rare allele easily detected and quantified in presence of abundant wildtype, without reference to standards or controls

- √ No es necesario depender de referencias o estándares.
- ✓ Determinación absoluta y precisa del número de copias.
- ✓Alta tolerancia a los inhibidores y capacidad para analizar mezclas complejas.
- √ Transferencia sencilla de ensayos de qPCR a dPCR.
- ✓ Detección de pequeños cambios de expresión.
- ✓Comparada con la qPCR a tiempo real es, más sensible , específica y precisa.







Aplicaciones de PCR digital

Cuantificación absoluta:

Medida del número de copias por unidad de volumen sin necesidad de curva estándar.

Cuantificación de la carga viral.



Cuantificación y generación de estándaresy de referencia.

Detección de patógenos de bajo nivel.



 Detección y cuantificación de organismos modificados genéticamente (GMO).

Cuantificación relativa:

Esta aplicación permite cuantificar la cantidad de un objetivo en relación con el material genético total.

Variación del número de copias de alta precisión
 (CNVs).

> Análisis de mutaciones raras.



Detección de pequeñas diferencias de expresión génica.



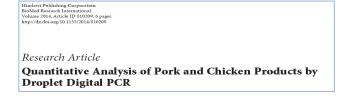




Bibliografía: utilización PCR digital

Control alimentario de fraudes, trazabilidad





Caracterización y utilización de materiales de referencia

Biomol Detect Quantif. 2016 May 3;10:47-49. eCollection 2016

Digital polymerase chain reaction for characterisation of DNA reference materials. Bhat S^1 , Emslie KR^1 .

Article OPEN Published: 30 November 2018 Evaluation of droplet digital PCR and next generation sequencing for characterizing DNA reference material for KRAS mutation detection Lianhua Dong Stangjun Wang, Boqiang Fu & Jing Wang Scientific Reports 8, Article number: 9650 (2018) | Download Citation ±

Detección y cuantificación de microorganismos patógenos





Microbiología alimentaria









Detección y cuantificación de alérgenos

European Food Research and Technology

February 2019, Volume 245, <u>Issue 2</u>, pp 499–509 | <u>Cite as</u>

Quantification of the allergen soy (*Glycine max*) in food using digital droplet PCR (ddPCR)

Ital J Food Saf. 2018 Dec 31; 7(4): 7264.

Published online 2019 Feb 11. doi: 10.4081/ijfs.2018.7264

Detection of fish allergen by droplet digital PCR

Cuantificación de GMOs

Biomol Detect Quantif. 2019 Mar; 17: 100076.

Published online 2019 Feb 11. doi: 10.1016/j.bdq.2018.12.001

PMCID: PMC6446038 PMID: 30984566

Development of event-specific qPCR detection methods for genetically modified alfalfa events J101, J163 and KK179

Anal Bioanal Chem. 2018; 410(17): 4039-4050.

Published online 2018 Mar 24. doi: 10.1007/s00216-018-1010-1

PMCID: PMC6010488 PMID: <u>29574561</u>

Critical assessment of digital PCR for the detection and quantification of genetically modified organisms

Microbiología clínica

Archives of Virology

March 2019, Volume 164, <u>Issue 3</u>, pp 691–697 | <u>Cite as</u>

Development of a sensitive and reliable reverse transcription droplet digital PCR assay for the detection of citrus yellow vein clearing virus



Molecular and Cellular Probes
Volume 43, February 2019, Pages 50-57



Development of a droplet digital PCR assay for sensitive detection of porcine circovirus 3

<u>Diagnóstico molecular</u>

BMC Cancer. 2018; 18: 676.

Published online 2018 Jun 22. doi: 10.1186/s12885-018-4601-5

PMCID: PMC6013872 PMID: 29929476

Droplet digital PCR-based circulating microRNA detection serve as a promising diagnostic method for gastric cancer

Gaoping Zhao, ^{III}.2.3 <u>Tao Jiang</u>, ^{1,2} <u>Yanzhuo Liu</u>, ² <u>Guoli Huai</u>, ² <u>Chunbin Lan</u>, ^{1,2} <u>Guiquan Li</u>, ⁴ <u>Guiqing Jia</u>, ^{1,2} Kang Wang, ^{1,2} and Maozhu Yang ^{III}.3.5







...para cualquier consulta podéis contactar con el grupo responsable (LAGENBIO) o utilizar la página web del IA2



iiiiGRACIAS POR VUESTRA ATENCIÓN!!!!





